構造生物学

αドメイン構造

(注:ここでは可溶性タンパク質のみ)

モチーフの組み合わせからみた タンパク質構造の分類

αドメイン構造

 α/β ドメイン構造

βドメイン構造

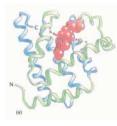






Fig 2-10b (4章)

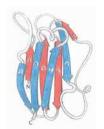
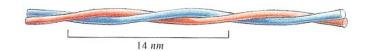


Fig 2-11c (5章)

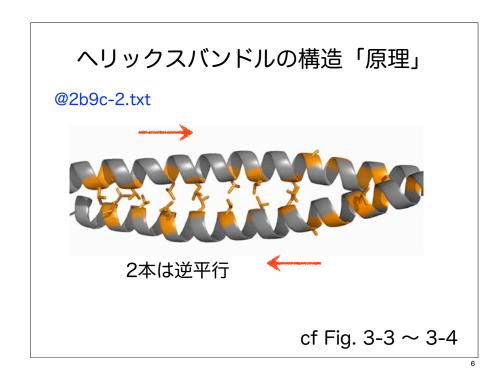
コイルドコイル構造

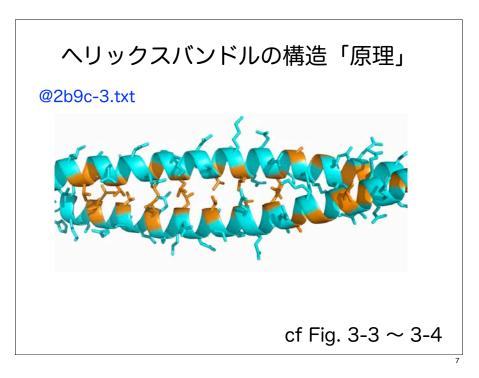
2本のαヘリックスが巻きついたもの

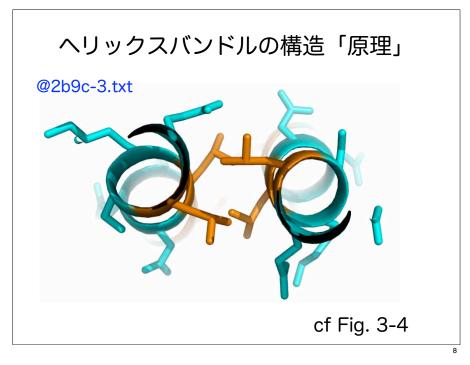


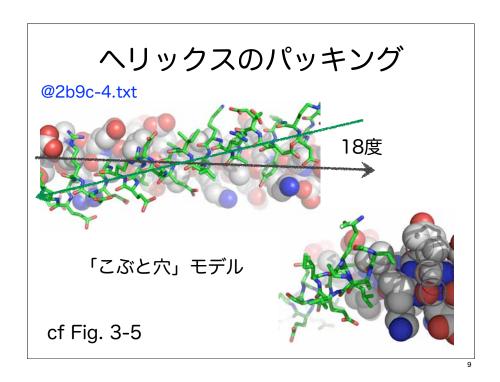
左巻きの「超らせん」

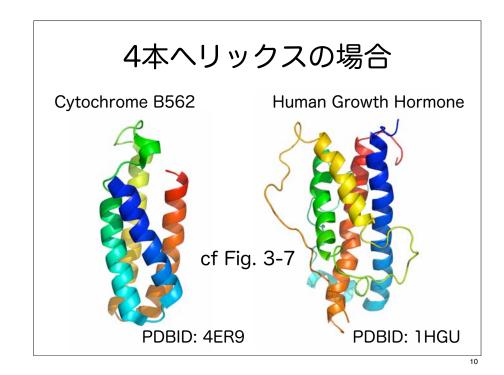


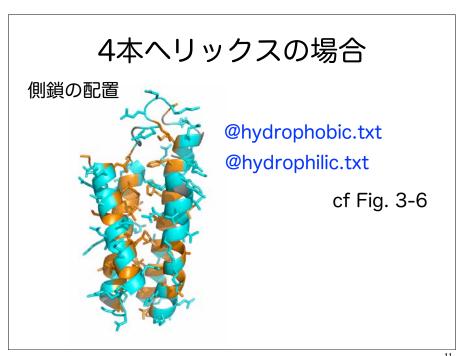


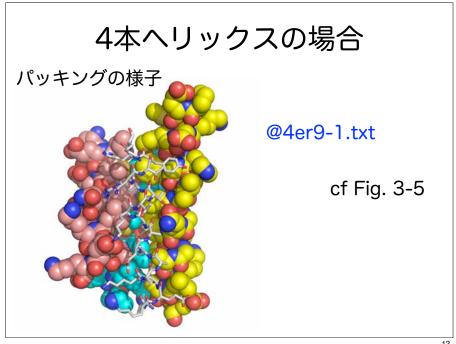




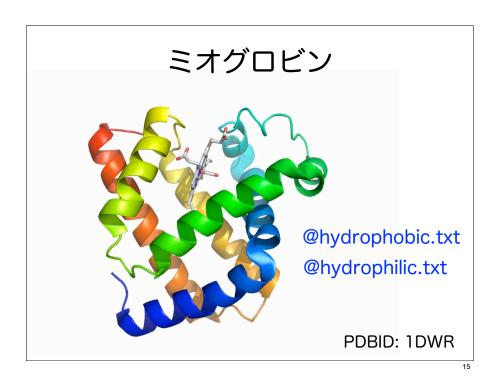






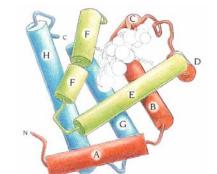


より複雑なαドメイン構造



グロビン・フォールド

globin fold: 8本のαヘリックス



ミオグロビン、ヘモグロビン

規則性はなく 単純ではない

しかし、16%の配列相同性でも同じ構造を示す

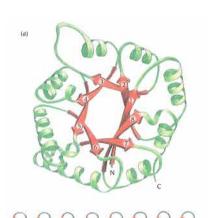
Fig. 3-10

ヘリックスのパッキングルール 縁と溝 @1dwr-1.txt cf Fig. 3-11, 12

α/β 構造

最も一般的な構造

1. α/β バレル



(TIM バレル)

8本の平行 β ストランドからなる閉じたバレルと外側の α ヘリックス

Fig. 4-1

α/β 構造の分類

1. α/β バレル (TIMバレル)

閉

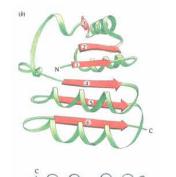
2. ねじれたオープン・シート (ロスマンフォールド)

開

3. ロイシン・リッチ・モチーフ (LRR)

2. ねじれたオープン・フォールド

(ロスマンフォールド)



ねじれた平行 β シートと シート両面の α ヘリックス

> 構造の多様性大 βストランド数 4~10本

> > Fig. 4-1

19

3. ロイシン・リッチ・モチーフ ロイシン・リッチ・リピート(LRR) 蹄鉄型構造 Fig. 4-11

 α/β 構造に共通する特質

- (2) ドメイン構造の中で 1番多い
- (3) ループ領域に基質を結合するくぼみがある

 $\beta - \alpha - \beta$ モチーフの繋がり方 4本ストランドの平行βシートの場合 $\beta - \alpha - \beta$ モチーフは「右巻き」 Fig. 4-2

1. α/β バレル (TIMバレル)

α/β /\(\mu\)

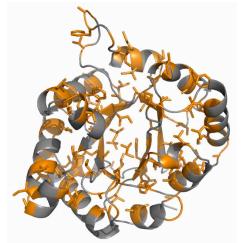
(TIMバレル)

@8tim-1.txt

ニワトリ トリオースリン酸異性化酵素

PDB ID: 8TIM

 α/β バレルの成り立ち

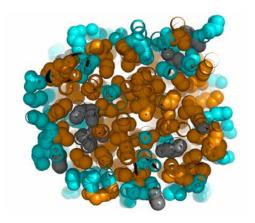


@8tim-2.txt

cf. Fig. 4-3

20

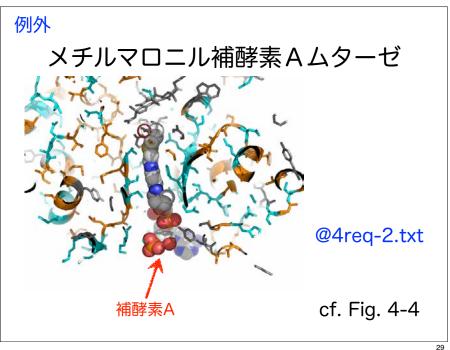
 α/β バレルの成り立ち



@8tim-3.txt

cf. Fig. 4-3

例外 メチルマロニル補酵素 A ムターゼ Q4req-1.txt PDB ID: 4REQ

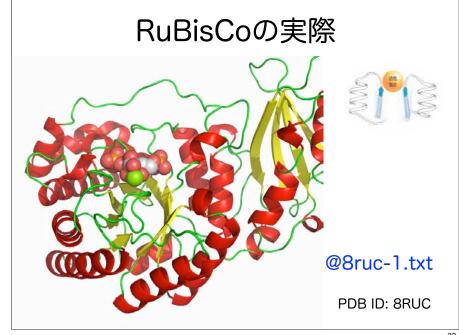


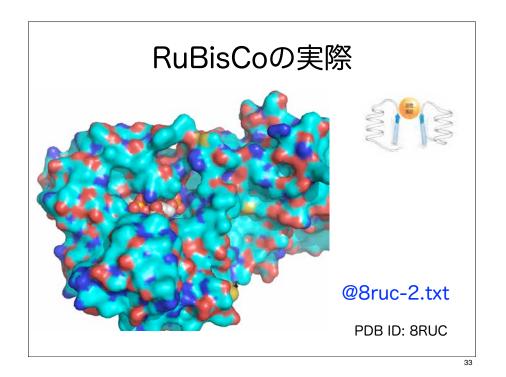
α/β バレル・ドメイン

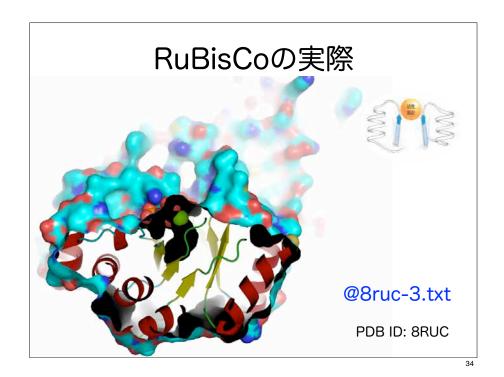
- ・複数のドメインからなるタンパク質の1 つのドメイン p51
- ・バレルが2つ繋がった酵素 p52

29

α/βバレル酵素の活性部位 Fig. 4-8







2. ねじれたオープン・シート (ロスマン・フォールド) 多様なトポロジー

ねじれたオープン・シートの構造と活性部位 βストランドのC端側 Fig. 4-2 Fig. 4-13



ねじれたオープン・シートの例
(ぼみ)
@1g5q-2.txt
PDB ID: 1G5Q

ねじれたオープン・シートの例

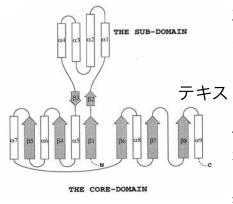
@1g5q-3.txt
PDB ID: 1G5Q

p59~64

いろいろな α/β 構造と 活性部位の具体例

チロシル-tRNA合成酵素 カルボキシペプチダーゼ アラビノース結合タンパク質

課題3



左の図は, L-2-八口酸デ ハロゲナーゼという酵素 のトポロジー図である.

テキスト このタンパク質の活性部 位はどこにあると考えら れるか.

理由も書け.

参考:PDB 1qh9